

GENOTIPIZZAZIONE HCV

Gen-C 3.0

**Identificazione dei genotipi da 1 a 7
e numerosi sottotipi.**

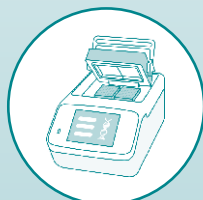
Gen-C 3.0 è un saggio ad ibridazione inversa su striscia per la genotipizzazione del virus dell'epatite C (HCV). Il test consente di identificare i genotipi e sottotipi virali più comuni, discriminandoli sulla base delle variazioni trovate nelle regioni 5' non tradotta (5' UTR) e Core del genoma di HCV.

FLUSSO DI LAVORO

Estrazione
RNA



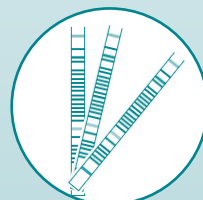
Amplificazione
RNA



RDB



Analisi
dei risultati



CARATTERISTICHE



Target

5'UTR e CORE del genoma
di HCV



Tecnologia

Ibridazione inversa su striscia



Materiale di partenza

Plasma



Caratteristiche prestazionali

- Sensibilità: 100%
- Specificità: 100%



Software di analisi

Software Marker Detection
cod. DO018-S



**REAGENTI PRONTI
ALL'USO**



**ALTA SENSIBILITÀ
E SPECIFICITÀ**

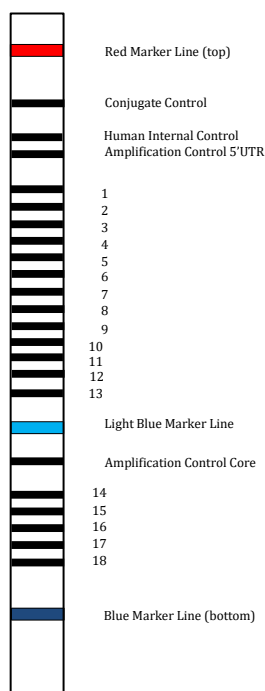


**CONTROLLI
DI AMPLIFICAZIONE
E DI RIVELAZIONE**



**REAGENTI PER
L'AMPLIFICAZIONE DEGLI
ACIDI NUCLEICI INCLUSI**

GENOTIPI E SOTTOTIPI



GENOTIPI

1, 2, 3, 4, 5, 6, 7

SOTTOTIPI

1a, 1b, 2a/2c, 2b, 3a, 3b, 3c, 3k,
4a, 4a/4d, 4a/k, 4f, 5a,
6a/6b, 6g, 6m, 6t e 7a

COMPATIBILITÀ

Estrazione Acidi Nucleici

QIAasymphony® DSP Virus/Pathogen Midi Kit, cod. NLM AA1440/96
MagCore® Viral Nucleic Acid Extraction Kit, cod. NLM AA1186
QIAamp DSP Virus Spin Kit, cod. NLM AA1021

Sistema di amplificazione

SimpliAmp™ Thermal Cycler, cod. NLM CA139
C1000™ Thermal Cycler, cod. NLM CA157
T100™ Thermal Cycler, cod. NLM CA148

Rivelazione

Manuale
Tecan ProfiBlot T48, cod. NLM I-1002
Dynex Dynablot Heat, cod. NLM CC006
Ulteriori strumenti di rivelazione



Nome	Codice
GEN-C 3.0	AC004/24